

Cara/caro Collega,

Il **Gruppo Veterinario Suinicolo Mantovano**, in collaborazione con **Zoetis** ha il piacere di invitarti ad un incontro di formazione scientifica con due interessanti presentazioni:

il dottor Giovanni Franzo (UniPD, dipartimento di Medicina Animale, Produzione e Salute-MAPS) ci presenterà una relazione dal titolo:

“ L’evoluzione dei PCV2: un percorso tra imprevisti e opportunità”

mentre la dott.ssa Paola Zanardelli (Zoetis, Area Technical Manager Swine, BU Swine & Poultry, Italy) la seguente:

“Circomatch: il controllo del PCV2 passa attraverso l’epidemiologia”.

L’ incontro è fissato per **il giorno venerdì 16 giugno, ore 19.15**, presso la nostra sede all’ Istituto Tecnico Agrario Strozzi, via dei Toscani, Dosso del Corso (MN).

Alla fine dei lavori, secondo la migliore tradizione GVS, verrà festeggiato l’arrivo dell’ estate con la tradizionale **“grigliata sotto la barchessa”** offerta a tutti i soci e ai loro famigliari da Zoetis Italia.

In allegato il prestigioso C.V. del dott. G. Franzo, per la prima volta nostro ospite.

Il Consiglio Direttivo GVS

Il prof. Franzo si laurea nel settembre 2011 in Medicina Veterinaria (Università degli studi di Padova). Nel marzo 2015 consegue il dottorato di ricerca in Scienze Veterinarie (Università degli studi di Padova) con tesi dal titolo "Further insight into the molecular epidemiology and evolutionary dynamics of rapidly evolving RNA and ssDNA viruses". Nel Novembre 2017 ottiene il Master di secondo livello in "Biostatistica ed epidemiologia clinica" (Università degli studi di Pavia) con tesi dal titolo "Comparison and validation of different machine learning methods for the prediction of survival to Canine Parvovirus 2 infection".

Dal 2021 è membro del College Europeo di Microbiologia Veterinaria (ECVM).

Attualmente è professore nell'area di malattie infettive del dipartimento di Medicina Animale, Produzione e Salute (MAPS).

Autore di oltre 130 pubblicazioni su riviste internazionali indicizzate, la sua attività di ricerca è focalizzata sullo studio dell'evoluzione ed epidemiologia molecolare di virus di interesse veterinario, utilizzando diversi approcci bioinformatici, biostatistici e di

filogenesi. Attualmente gli argomenti di studio sono rappresentati principalmente da virus con genoma a singolo filamento di DNA o a RNA che interessano il suino (PCV2, PCV3, PCV4, PRRSV, PPV, etc), il pollo (aMPV, IBDV e aMPV) e gli animali da compagnia (CPV-2 e FPV). Recentemente si sta occupando anche della presenza di questi patogeni nei selvatici e nei paesi in via di sviluppo, Africa in particolare, e del loro potenziale ruolo epidemiologico. Si è inoltre occupato dell'impatto che la variabilità genetica di questi virus ha sull'efficacia delle strategie di controllo (e.g. vaccinazione) e sulle performance dei test diagnostici molecolari. Fra i nuovi ambiti di ricerca figurano lo studio del microbioma e lo sviluppo di modelli predittivi basati sul machine learning e sull'intelligenza artificiale per predire l'esito di alcune malattie infettive sulla base di informazioni genetiche o cliniche.